

EXHIBIT E

Exhibit E. Figure 1 of specification. Asterisks denote residues that are conserved between GFP, DsRed and polypeptides encoded by the wild type nucleic acids disclosed in the specification.

		10	20	30	40	50		
GFP	MSKNSSELEFTGVVPIVLELGGDVNGHNFQVSGEGEGDATYQKLTLLKFICTGKLPVP	SEQ ID NO:29
DsRed	MRSSKNVICZFMRFKVRMEGTVNGHFEFIQSEGEGRPYEGHNTVKKIKVTKGQ	SEQ ID NO:30
ppluGFP1	MPANKIECRISGTLNQVVPFLVSGGEGGIVPEQGRMTNKKKSTKGA	SEQ ID NO:02
ppluGFP2	-----T-----E-----T-----	SEQ ID NO:04
laesGFP	--V-----K--EE--A-D-NIDE-----P-S-----	SEQ ID NO:06
pmeaGFP1	--D--L--H--M--EE--I-A-D-NIDE-----I--PIS----	SEQ ID NO:08
pmeaGFP2	--D--L--H--M--EE--I-S-D-NTD-----N--I--P-S-----	SEQ ID NO:10
pmedGFP1	--N--L-----M--EE--A--NTIE-----D-S-----	SEQ ID NO:12
pmedGFP2	--N--L-----M--EE--A-D-NTDE-----Q-----P-S-----	SEQ ID NO:14
pdae1GFP	--A-----T--M--E-----NTD-----P-S-----	SEQ ID NO:16
		60	70	80	90	100	110	
GFP	LVTTFSYGVQCFSRAFCRMKQHDFPKHAMPNGYVQENTLFFKDDGNYIKTRAENVKFEQDT	SEQ ID NO:29
DsRed	LSFPQPYGSKYVVKHPADIP..CYKLLSPFEGQKWRVMNFEDGGVVTVDSSSLQGGC	SEQ ID NO:30
ppluGFP1	LQHVNGYGFYHFTSTYPSGYEN..PPLHAANNNGHTNTRISKYSGGGVLHVFSYRYEAGR	SEQ ID NO:02
ppluGFP2	-----I-----	SEQ ID NO:04
laesGFP	---I-----YA-F-A---VY---K-----T-R---IIS-N-T---GKR	SEQ ID NO:06
pmeaGFP1	---IL---Y---A-F-A---IY---MK---S-V-T-R---IISIT-N---GKR	SEQ ID NO:08
pmeaGFP2	---IL---Y---A-F-A---IY---MK---S-V-T-R---IISIT-N---GKR	SEQ ID NO:10
pmedGFP1	---L---Y---YA-F-A---VY---MK---S---T-R---IISAT-N---GRQ	SEQ ID NO:12
pmedGFP2	---L---Y---YA-F-A---VY---MK---S---T-R-D---IISAT-N---GRQ	SEQ ID NO:14
pdae1GFP	-----F-----VY---MT-----S-----YLT-N---LDGKK	SEQ ID NO:16
		120	130	140	150	160	170	
GFP	LVNRIELNGYDFKEDENILGHKLEYNENSHVYIMADRQKMGIMVNFKIKNNIEDGSGVQL	SEQ ID NO:29
DsRed	PIYKVFPIGVNPPEDGGPVNQ..EKIMCKNEASTERLYE..RDGVILNGEIHKALKIMDGGHYL	SEQ ID NO:30
ppluGFP1	VIGDFPVVGTPGPPEDS.VIPTDMIIENATVENLHP.MGDNYLVGSPARTFELRDGGYYS	SEQ ID NO:02
ppluGFP2	-----	SEQ ID NO:04
laesGFP	-----F---AN--K--P-C--IY..K---I--NAYT--WM-----	SEQ ID NO:06
pmeaGFP1	I-----IN--L-----K--P-C-NMF--KA--T--NAYT--YL-K-----	SEQ ID NO:08
pmeaGFP2	I-----I-----T--L-----K--P-C-NMF--KA--I--NAYT--YL-K-----	SEQ ID NO:10
pmedGFP1	IR-----A--X-----K--P-C--IY..KAN-I--NAYT--WM-----	SEQ ID NO:12
pmedGFP2	IR-----A--X-----K--P-C--IY..KAD-I--NAYT--WM-----	SEQ ID NO:14
pdae1GFP	I-----C-----K--PWC--FY--AE-IMENAYM--L-----	SEQ ID NO:16
		180	190	200	210	220	230	
GFP	ADHYQONTPIQDG..FVLLFQNNHYLSTQSALSKDNNKRDHMLLESFVTAAGITHGMDELYK	SEQ ID NO:29
DsRed	VEFKSIYMAKK...PVQLPGYIYVDSKLOFTSHNEDYT..IVEQYERTGEPHHLPL	SEQ ID NO:30
ppluGFP1	FVVDSHMHKPSAIHPGILQNGGSMFAFRRYEELHNT..ELGIVEYQHAKPTPTAPA	SEQ ID NO:02
ppluGFP2	-----E-----I-----	SEQ ID NO:04
laesGFP	AQ--NN--L--T-M--TM-----TY-K-----QS..DV-----V-----	SEQ ID NO:06
pmeaGFP1	AQ--NN-----TM-----TY-V-----T-TQN--VA-----NV-----	SEQ ID NO:08
pmeaGFP2	AQ--NN-----TM-----TH-V-----N-TE--NVA-----NV-----	SEQ ID NO:10
pmedGFP1	AQ--NN--LQ-----TM-K-----TY-K-----TQ--V-----V--R-----	SEQ ID NO:12
pmedGFP2	AQ--NN--FK-----TM-----TY-K-----TQ--V-----V--R-----	SEQ ID NO:14
pdae1GFP	GQ--T--I--N-----H-----TY-----TQ--D-----V-----	SEQ ID NO:16